

OFERTA DE CONTRATO: Ref 2507/20

AREA DE INVESTIGACION: CANCER

Proyecto de Investigación: “CARACTERIZACIÓN MOLECULAR DEL CÁNCER DE PRÓSTATA HEREDITARIO”

Investigador Responsable: Dra. Elena Castro Marcos

Entidad financiadora: Entidad Pública

Área 2. Grupo II - Titulado Superior

Son los profesionales que prestan servicios científico-técnicos a la comunidad investigadora a través de plataformas o servicios de apoyo a la investigación, o directamente en los grupos de investigación. Ejercen su función con autonomía, responsabilidad e iniciativa para organizar su trabajo y/o el de otros, realizando su cometido bajo una supervisión de los resultados obtenidos por parte del investigador solicitante de esta ayuda realizando las siguientes funciones:

- **Gestión del Clúster HPC:** Mantener y optimizar el rendimiento de nuestro Clúster de Computación de Alto Rendimiento. Solucionar problemas y resolver incidencias para asegurar un soporte computacional ininterrumpido a nuestros proyectos de investigación.
- **Gestión de Bases de Datos:** Administrar y mantener nuestros sistemas de bases de datos, con un fuerte enfoque en SQL. Asegurar la integridad, seguridad y recuperación eficiente de los datos para nuestros investigadores. **Gestión de Flujos de Trabajo:** Apoyar al equipo de investigación en la mejora y automatización del procesamiento de datos.
- **Soporte Técnico:** Brindar asistencia técnica y orientación a los investigadores en relación con los recursos computacionales, herramientas de software y gestión de datos.
- **Soporte de Hardware:** Proporcionar soporte técnico para el mantenimiento y adquisición de equipos informáticos. **Colaboración:** Colaborar con equipos interdisciplinarios para comprender las necesidades computacionales de los proyectos de investigación en curso y adaptar los sistemas en consecuencia.

REQUERIMIENTOS

Titulación académica Grado o diploma en Ingeniería Técnica en Informática, Ingeniería Informática, Ingeniería en Tecnologías de la Información o un campo relacionado

Formación específica Máster en Ingeniería Informática, Ciencias de la Computación y/o Ingeniería Eléctrica ó similar

Experiencia Previa Imprescindible: Sólida formación en Machine Learning e Ingeniería Computacional

Al menos 1 año de experiencia trabajando en Biología Computacional

Experiencia postdoctoral o predoctoral en un laboratorio consolidado en España o en el extranjero

Experiencia en análisis de datos de alto rendimiento (secuenciación de nueva generación, expresión génica, etc.) y familiaridad con bases de datos genómicas y software ampliamente utilizados

Amplia experiencia en entornos de clústeres GNU/Linux y en el uso de lenguajes de programación y scripting como Java, Perl, Python o Shell script. Específicamente, el/la candidato/a debe: Manejar fluidamente Python u otros lenguajes de programación.

Conocimiento de herramientas bioinformáticas y paquetes de visualización/minería de datos, así como aptitud para adaptarlos de forma óptima a problemas específicos.

Experiencia en el procesamiento y análisis de datos de secuenciación de nueva generación (NGS), incluyendo WGS, WES o paneles génicos

Herramientas informáticas C/C++, Python and Java, JavaScript, Node.js, and React.js, GNU/ Linux,AWS, and GCP, - SQL, and Oracle, Lattice, and Notion, Jira, and Confluence y Scrum, and Kanban

Idiomas Inglés avanzado

DURACIÓN según proyecto

DOCUMENTACION Y ENTREGA Currículum Vitae (en español) adaptado a los requisitos de la oferta, fotocopia DNI, fotocopia de titulación. Envío de la documentación a rrrh@h12o.es indicando de manera expresa el número de referencia de la oferta.

PLAZO Hasta el 19 de julio de 2025

El resultado de esta de oferta se publicará en la WEB del I+12